

DIVERSIDADE GENÉTICA DE 70 ACESSOS DO BANCO DE GERMOPLASMA DE *Jatropha* spp. DO IAC

Díaz H.B.G.¹; Argollo M.D.²; Nucci S.M.², Siquiera W.J.², De Laat D.M.², Colombo C.²

¹Instituto Nacional de Investigaciones Forestales, Agrícolas y Pecuarias (INIFAP), C. E. Cotaxtla, Veracruz, Mex. ² Centro de Pesquisa em Recursos Genéticos Vegetais, Instituto Agronômico de Campinas, Campinas, São Paulo.

Jatropha curcas é uma espécie com potencial para a produção de biocombustível em áreas tropicais e subtropicais do mundo. No entanto, ainda é considerada planta semidomesticada e não há, até o momento, uma cultivar estável bem como suficiente conhecimento científico e tecnológico para o estabelecimento do cultivo em grande escala. Assim, pesquisas na área de melhoramento genético são essenciais para a sustentabilidade econômica da cultura. Biotecnologias como o uso de marcadores moleculares para a caracterização e avaliação da diversidade genética do germoplasma disponível podem auxiliar programas de melhoramento. O objetivo deste trabalho foi avaliar a diversidade genética de 70 acessos de *Jatropha* spp. do Banco Ativo de Germoplasma do IAC (BAG) mediante diferentes marcadores moleculares. O análises foi realizado por marcadores SSR, ISSR e AFLP. O marcador SSR revelou sete bandas polimórficas enquanto os marcadores ISSR produziram 271 bandas polimórficas contra 227 dos AFLP, este revelando maior diversidade genética que o primeiro (1 – Jaccard), ou seja 0,62 contra 0,41, respectivamente. Os 70 acessos foram divididos em oito grupos segundo a origem dos mesmos. O índice de diversidade genética total de Nei (H_T) foi considerado baixo para os ISSR (0,14) e mediano para os AFLP (0,22). O coeficiente de diferenciação genética (G_{ST}) foi de 0,408 e 0,355 para ISSR e AFLP, respectivamente, revelando que maior variabilidade foi atribuída à variação entre grupos do que dentro dos grupos. A análise de agrupamento (UPGMA) apoiou a existência de importante diversidade genética para fins de melhoramento genético da espécie, embora não refletiu uma estrutura de agrupamento clara com relação à origem geográfica dos acessos.

Palavras-chave: Banco de Germoplasma, SSR, ISSR, AFLP.

Agradecimentos: CAPES, INIFAP, CNPq, PETROBRAS.

